



جينوم المحيطات العالمي: «فهرس» الحياة في المحيطات

Elisa Laiolo^{1,2,3*}, Intikhab Alam³, Mahmut Uludag³, Tahira Jamil^{1,2,3}, Susana Agusti^{1,2}, Takashi Gojobori³, Silvia G. Acinas⁴, Josep M. Gasol⁴ و Carlos M. Duarte^{1,2,3}

¹برنامج علوم البحار، قسم العلوم والهندسة البيئية والبيئية بجامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية (كاوست)، ثول، المملكة العربية السعودية

²مركز أبحاث البحر الأحمر، جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية (كاوست)، ثول، السعودية

³مركز أبحاث العلوم البيولوجية الحاسوبية بجامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية (كاوست)، ثول، المملكة العربية السعودية

⁴قسم البيولوجيا البحرية وعلوم المحيطات بمعهد العلوم البحرية التابع للمجلس الوطني الإسباني للبحوث (CSIC)، برشلونة، إسبانيا

[†]شارك المؤلفون بالتساوي في هذا العمل، ومن تم يتقاسمون حقوق التأليف الأصلية

المراجعون الصغار

IGOR

العمر: 12



SEBASTIAN

العمر: 13



لقد تطورت الحياة في المحيطات لفترة أطول بكثير مما كانت عليه على اليابسة، ما أدى إلى وجود كائنات حية شديدة التنوع في المحيطات، لا سيما الميكروبات مثل البكتيريا والعتائق. وتؤدي ميكروبات المحيطات وظائف مهمة تؤثر على صحة المحيط وتؤثر في نهاية المطاف على مناخ الأرض. ولاستيعاب تنوع الكائنات البحرية ووظائفها، استخدم العلماء تقنية قوية تُسمى الميتاجينوميكس لدراسة الحمض النووي/جميع الكائنات الحية الموجودة في عينة من مياه المحيط في آن واحد. وقد دمجنا -في بحثنا- نتائج دراسات ميتاجينومية محيطية متعددة، مستمدة من مواقع ومناطق أعماق مختلفة في محيطات العالم، لإنتاج جينوم محيطات عالمي يتألف من 317.5 مليون مجموعة من الجينات المتشابهة - يمكن تصنيف نصفها تقريبًا حسب نوع الكائن الحي ووظيفته. توفر لنا هذه الكمية غير المسبوقة من

البيانات الكثير من المعلومات عن موائل المحيطات المتنوعة ويمكن أن تساعد العلماء في الإجابة عن العديد من الأسئلة حول الكائنات الحية في المحيطات ووظائفها.

المحيط: مهد الحياة

المحيط هو أكبر موئل في العالم؛ إذ تغطي المحيطات 71% من سطح كوكبنا وتحتوي على كمية هائلة للغاية من المياه تبلغ 1.335 مليار كيلومتر مكعب، أي حوالي 97% من إجمالي المياه على الأرض! والمحيط هو أيضًا مهد الحياة؛ فقد ظهرت أشكال الحياة الأولى على الأرض في هذا العالم المائي منذ قرابة 3.9 مليار سنة.

تعيش أنواع كثيرة من الكائنات الحية في المحيط، بدءًا من النباتات والحيوانات وصولًا إلى البكتيريا والفيروسات. ربما تعرف الحيوانات البحرية الكبيرة مثل الحيتان والدلافين والأخطبوط، إلا أن المحيط يحتوي في الواقع على مجموعة كبيرة من الحياة الحيوانية. نشأت أشكال الحياة الأولى على الأرض في المحيط، ثم تطورت لاحقًا لتغزو اليابسة. وتشير حقيقة أن من بين 34 شعبة حيوانية رئيسية معروفة ثمة شعبة واحدة فقط موجودة حصرًا على اليابسة (وهي شعبة الأونيكوفورا، التي تضم نوعًا من الديدان له أرجل وملمس مثل الخمل) إلى التاريخ التطوري الطويل للحياة في المحيطات [1]. وليس من المستغرب -بالنظر إلى طول فترة تطور الحياة في المحيط- أن يزخر بتنوع بيولوجي هائل - لا يزال جزء كبير منه غير مستكشف.

تُصنف جميع الحيوانات - سواء التي تعيش في المحيط أو التي تعيش على اليابسة على أنها **حقيقي النواة** مما يعني أن كل خلية من خلاياها تحتوي على نواة متميزة ووحدات وظيفية أخرى مُحاطة بالأغشية تسمى العضيات. ومع ذلك، فإن الكائنات الحية الأكثر وفرة في المحيط هي **بدائي النواة**، وهي ميكروبات المحيط التي لا تُرى بالعين المجردة. تشمل بدائيات النوى -وهي كائنات وحيدة الخلية بدون نوى أو عضيات متخصصة- نوعين من الكائنات الحية: البكتيريا، التي ربما تكون قد سمعت عنها، والعنائق، التي قد تكون أقل دراية بها. تشترك البكتيريا والعنائق في العديد من الأشياء، بيد أن إحدى السمات المهمة التي تميز هاتين المجموعتين عن بعضهما البعض هي أن الجدران الخلوية للعديد من البكتيريا تحتوي على مادة تسمى **ببتيدوغليكان** في حين تفتقر الجدران الخلوية للعنائق إلى هذه المادة تمامًا.

ونحن نعلم أن ثمة أكثر من مليوني نوع من البكتيريا في المحيطات العالمية، إلا أننا ما زلنا لا نعرف الكثير عنها وعن الأنواع الأخرى من ميكروبات المحيطات. ومن الصعب للغاية دراسة هذه الكائنات الحية لأن أكثر من 99% منها لم يُزرع في المختبر!

حقيقي النواة (Eukaryote)

هو كائن حي يحتوي خلاياه على نواة ووحدات وظيفية أخرى مُحاطة بغشاء تُسمى العضيات. وتُعد الحيوانات والنباتات والفطريات أمثلة على حقيقيات النوى.

بدائي النواة (Prokaryote)

هو كائن حي وحيد الخلية لا يحتوي على نواة أو عضيات مميزة، والبكتيريا والعنائق من بدائيات النوى.

ببتيدوغليكان (Peptidoglycan)

هي مادة تُشكّل جدران خلايا العديد من البكتيريا. ولا توجد الببتيدوغليكانات في الجدران الخلوية للعنائق.

ما أهمية ميكروبات المحيطات؟

تنوع الأنواع الفردية من البكتيريا والعتائق تنوعًا مذهلاً، والأهم من ذلك أن لديها العديد من الطرق الفريدة للحصول على الطاقة.

عملية الأيض (Metabolism)

هي التفاعلات الكيميائية داخل الخلايا التي تحول «الغذاء» إلى طاقة.

عملية الأيض هي مصطلح يُطلق على التفاعلات الكيميائية المنتجة للطاقة داخل معظم الخلايا. تستخدم هذه التفاعلات مصادر «الغذاء» لإنتاج الطاقة التي تحتاجها الخلايا للنمو والتكاثر والبقاء على قيد الحياة عمومًا. وتستفيد بعض البكتيريا والعتائق من أشعة الشمس في إنتاج الطاقة، بينما تحلل أو تحوّل بعض البكتيريا والعتائق الأخرى المركّبات التي تحتوي على الكربون أو النيتروجين أو الكبريت، وهي عناصر يمكن أن تؤثر على كيمياء المحيطات وتؤدي أيضًا أدوارًا حيوية في مناخ الأرض المتغير [2, 3].

وعلاوةً على ذلك، يمكن أن تكون ميكروبات المحيطات مصادر للجزيئات التي تضطلع بأدوار رئيسية في التكنولوجيا الحيوية. فقد عُزل -مثلًا- بروتين يُسمى تاك بوليميراز من بكتيريا تنمو في مياه المحيط فائقة الحرارة بالقرب من الفتحات الحرارية المائية، التي تشبه الينابيع الحارة في أعماق البحار. ويُعد هذا البروتين الآن جزءًا مهمًا من اختبار مخبري شائع يسمى تفاعل البوليميراز المتسلسل (PCR)، الذي يُستخدم في العديد من الدراسات العلمية والطبية بما في ذلك الكشف عن متحوّر فيروس كورونا - سارس-2 المسبب لفيروس كورونا (كوفيد-19).

ومن خلال هذه الأمثلة فقط، يمكنك أن ترى أن ميكروبات المحيطات وخاصةً البكتيريا والعتائق -على الرغم من صغر حجمها- هي من الكائنات المهمة للغاية في المحيطات. والأمر الأكثر إثارة للاهتمام هو أن العديد من الكائنات الحية في المحيطات ووظائفها لم تُكتشف بعد. إذن، كيف يمكننا الحصول على صورة شاملة لجميع الكائنات الحية التي تعيش في المحيط، من حقيقيات النوى إلى أصغر بدائيات النوى وأصعبها في الدراسة؟ كم سيكون الأمر رائعًا إذا استطعنا ببساطة أخذ عينات من المياه أو الرواسب من المحيط وتحليلها بسرعة في المختبر لمعرفة أنواع الكائنات الحية التي تعيش هناك والوظائف التي تؤديها؟ حسنًا، بفضل تقنية جديدة وقوية تُدعى الميتاجينوميكس، أصبح بإمكان الباحثين فعل ذلك!

دراسة الجينات لفهم الكائنات الحية

يحتوي كل كائن حي على الحمض النووي الذي يحمل التعليمات - أي الجينات - التي تُشكّل بنية ذلك الكائن الحي ووظيفته. وتُسمى جميع جينات الكائن الحي مُجموعة الجينوم.

الجينوم (Genome)

هو مجموعة تضم جميع جينات الكائن الحي.

التسلسل (Sequencing)

هو تقنية مختبرية تسمح للعلماء بـ«قراءة» الشفرة الوراثية، سواء على شكل مقاطع صغيرة أو جينوم الكائن الحي بأكمله.

علم الميتاجينوميكات (Metagenomics)

هو دراسة جينومات جميع الكائنات الحية في عينة معينة، مثل عينة من مياه المحيط أو الكائنات الموجودة على جلد الإنسان.

وتتمثل إحدى الطرق الرئيسية التي يدرس بها العلماء جينومات الكائنات الحية (وهو مجال يسمى علم الجينوم) في تحديد التسلسل حمضها النووي. والتسلسل هو تقنية مختبرية تتيح للعلماء «قراءة» الشفرة الوراثية. ولسنوات عديدة، كان تسلسل الحمض النووي عملية مُعرضة للأخطاء وتستغرق وقتًا طويلًا، ولم يكن بإمكان العلماء سوى تحليل تسلسل أجزاء قصيرة من الحمض النووي في كل تجربة، وكان الأمر يستغرق وقتًا طويلًا للغاية لقراءة جينوم كائن حي. فعلى سبيل المثال، استغرق تحديد تسلسل الجينوم البشري بأكمله -المسمى مشروع الجينوم البشري- 13 عامًا من العمل الذي اضطلع به العديد من العلماء في 20 مؤسسة في جميع أنحاء العالم [4].

غير أن بعض التطورات التقنية المذهلة في مجال تسلسل الحمض النووي -في العقود الماضية- ساهمت في جعل تسلسل الجينوم الكامل أسرع وأسهل وأقل تكلفة، مما ساهم في ازدهار علم الميتاجينوميكات. يعني مقطع «ميتا» «أعلى» أو «ما وراء»، لذا، فإن علم الميتاجينوميكات هو «ما وراء» دراسة جينوم كائن حي واحد، أي إنه دراسة المعلومات الوراثية/الجمعة من جميع الكائنات الحية الموجودة في عينة من البيئة، مثل الماء أو التربة.

ويستطيع العلماء -باستخدام تقنيات الميتاجينوميكات- تحديد تسلسل كل الحمض النووي في عينة من مياه المحيط لتحديد جينوم المحيطات العالي، أي جميع الجينات من جميع الكائنات الحية الموجودة في تلك العينة. ويمكن لهذه المعلومات أن تحيط العلماء علمًا بأنواع الكائنات الحية الموجودة وأنواع الوظائف المهمة بيئيًا التي تؤديها في موائل المحيطات [5]!

قوة علم الميتاجينوميكات: ما الكائنات التي تعيش في المحيط وما دورها؟

اضطلعت بعثة سورسير الثانية العالمية لأخذ عينات من المحيطات بإجراء أول دراسة ميتاجينومية للمحيطات، في الفترة من 2003 إلى 2004، حيث حلت مجتمع العوالق البحرية. وعلى مدى السنوات العشر الماضية، أُجريت بعثات استكشافية أخرى، منها بعثة تارا للمحيطات، التي جمعت 243 عينة من 68 موقعًا لأخذ العينات بين عامي 2009 و2013، معظمها من أعالي المحيط. وقد حدد تحليل الميتاجينوميكات لهذه العينات 33.3 مليون جين! (في المقابل، يحتوي الجينوم البشري على نحو 30,000 جين - انظر هنا لمزيد من المعلومات). وقد توسعت الدراسات الإضافية، بما في ذلك بعثة مالاسينا، وبرنامج يوم أخذ العينات من المحيطات [6]، وسلسلة هاواي الزمنية للمحيطات في هذه النتائج، حيث أخذت عينات من محيطات أخرى، وموائل بحرية محددة، ومياه من أعماق مختلفة.

ومن المهم أن ندرك أن بيئة المحيط ليست متماثلة من السطح إلى قاع المحيط، بل يمكننا تقسيمها إلى أربع مناطق فريدة متميزة، على النحو الموضح في الشكل 1A. وقد دمجنا -في بحثنا- الكم الهائل من بيانات الميتاجينوم المستقاة من 2112 عينة من المحيطات جُمعت من دراسات سابقة متعددة (الشكلان 1B, C)، لإنشاء «فهرس»

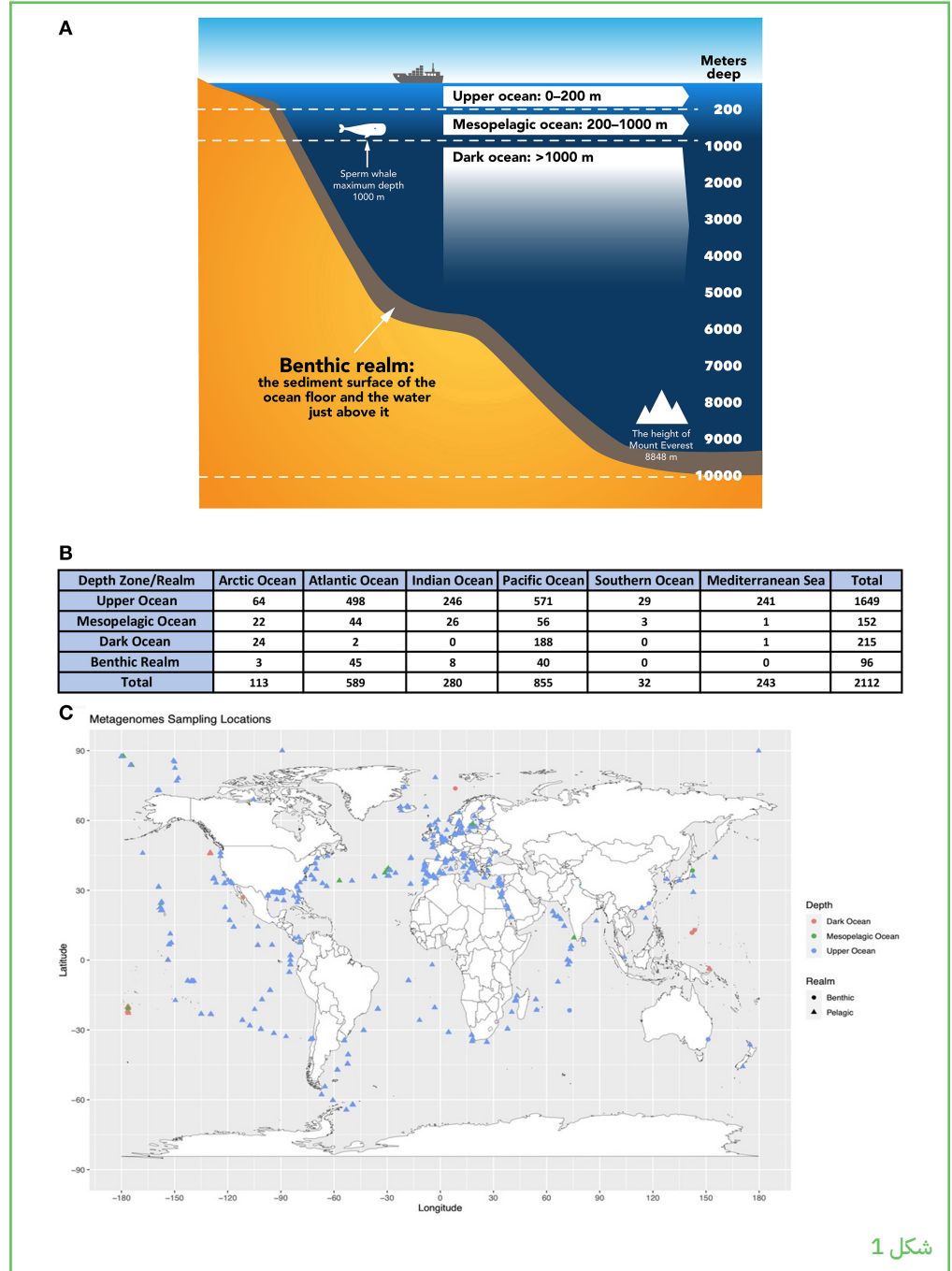
مُصَنَّف (Annotated)

أي مُصنّف وفقاً لنوع الكائن الحي الذي تنتمي إليه الجينات ووظائف البروتينات التي تُشفرها.

شكل 1

العينات المُجمعة لدراستنا. (A) مناطق المحيط وأعماقها. (B) مواقع ومناطق عمق العينات المستخدمة في بحثنا. ويمكنك أن ترى أن بعض المحيطات، مثل المحيط الجنوبي، وبعض مناطق الأعماق، مثل المحيط المظلم والنطاق القاعي، ممثلة تمثيلاً غير كافٍ في هذه العينات. (C) المواقع التي جُمعت منها الميتاجينومات المستخدمة في بحثنا في النطاق القاعي والمنطقة المفتوحة. وتوضّح مناطق العمق من خلال ألوان الدوائر.

كامل لجينوم المحيطات العالمي، يُسمى فهرس KMAP العالي لجينات المحيط 1.0. يحتوي هذا الفهرس على كمية مذهلة من المعلومات تعادل 317.5 مليون مجموعة جينية (مجموعات من الجينات المتشابهة المُجمعة معًا حسب الوظيفة)، نصفها تقريبًا مُصَنَّف، أي صُنّف وفقاً لنوع الكائن الحي الذي تنتمي إليه المجموعة ووظائف البروتينات التي تُشفرها.



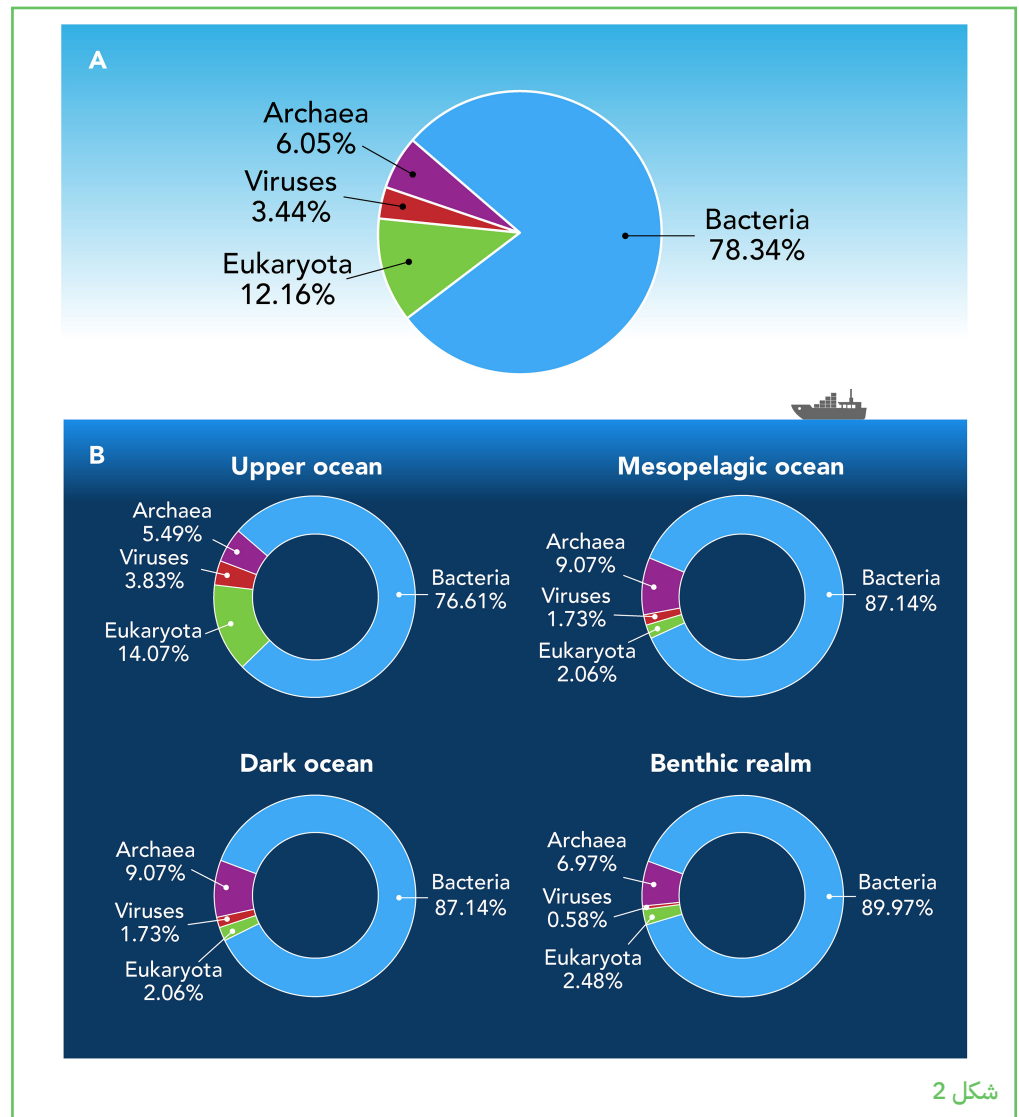
شكل 1

البكتيريا: القوى المؤثرة في المحيط

بالتركيز على مجموعات الجينات المُصنفة - تلك التي يمكننا ربطها بنوع معين من الكائنات الحية والتي لدينا معلومات وظيفية عنها - تبين لنا أن 78.34% من الجينات المُصنفة في جميع عينات المحيطات، كانت من البكتيريا، تليها حقيقيات النوى (12.16%) ثم العتائق (6.05%) والفيروسات (3.44%) (الشكل 2A). وكانت جينات البكتيريا هي المهيمنة في جميع مناطق العمق، ومع ذلك، لم تكن جينات هذه الأنواع الأربعة الرئيسية من الكائنات الحية في المحيطات مُوزعة بالتساوي في جميع المناطق؛ فقد احتوى النطاق القاعي ومناطق الأعماق المختلفة في المنطقة المفتوحة على نسب مختلفة من كل نوع من الكائنات الحية (الشكل 2B).

شكل 2

(A) الوفرة الإجمالية للجينات من الأنواع الأربعة الرئيسية للكائنات الحية في جميع عينات المحيطات. (B) تختلف وفرة الجينات من كل نوع من أنواع الكائنات الحية بين مناطق العمق في المنطقة المفتوحة (الطبقة المحيطية العليا والمنطقة المتوسطة من المحيط والمحيط المظلم) والنطاق القاعي. ونستفيد من هذا أن كل منطقة من المحيط تشكل موئلاً فريداً من نوعه ذا ظروف نمو محددة، مما يسمح بازدهار أنواع معينة من الكائنات الحية.



وهذا ليس مفاجئاً نظراً لاختلاف الظروف في مناطق الأعماق، خاصةً من حيث كمية الضوء المتاحة، مما يؤدي إلى تكوين مجموعة متنوعة من المكامن الإيكولوجية الفريدة التي يمكن أن تزدهر فيها أنواع محددة من الكائنات الحية.

عملية الأيض لدى الميكروبات وتأثيرها على مناخ الأرض

تحافظ عملية الأيض لدى الميكروبات على صحة المحيطات من خلال التحكم في تدفق العناصر الغذائية والطاقة.

وكما ذكرنا سابقاً، تؤثر بعض عمليات الأيض لدى الميكروبات على دورة العناصر -مثل الكربون- التي يمكن أن تؤثر على مناخ الأرض. ونظراً لأهمية عملية الأيض لدى الميكروبات، فقد ألقينا نظرة متعمقة على الجينات المرتبطة بعملية الأيض في فهرسنا. ففي العينات المأخوذة من النطاق القاعي، شاركت 41.3% من المجموعات الجينية المُصنفة في عمليات الأيض، مقارنةً بـ 25% فقط من المجموعات الجينية من المجتمعات البحرية المفتوحة. يشير هذا إلى أن ثمة العديد من العمليات الحيوية التي تشهدها هذه المنطقة من المحيط، والتي غالباً ما تكون مهمة ولا تحظى بالدراسة الكافية!

غازات الدفيئة

(Greenhouse gases)

هي الغازات الموجودة في الغلاف الجوي للأرض التي تحتجز حرارة الشمس، مما يمنعها من التبديد إلى الفضاء.

الاحترار العالمي

(Global warming)

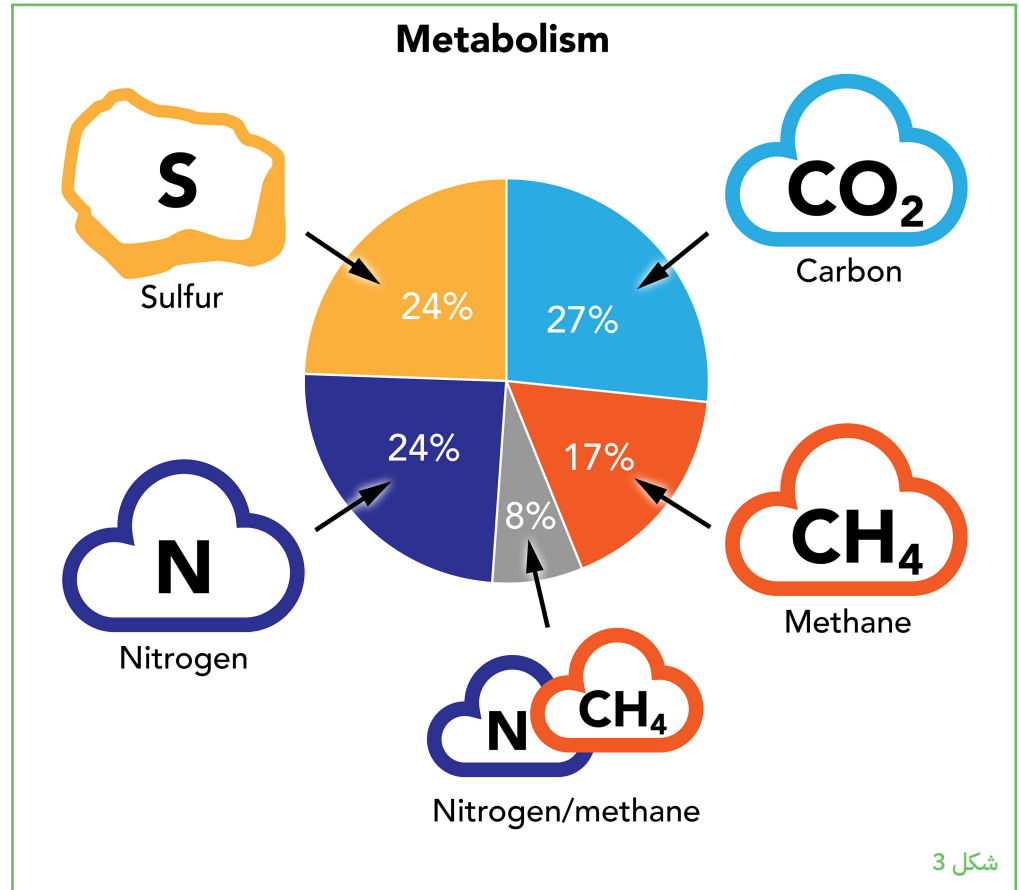
هو ارتفاع متوسط درجة حرارة الأرض الناجم عن غازات الاحتباس الحراري في الغلاف الجوي.

عندما فرزنا الجينات المُصنفة المرتبطة بعملية الأيض الموجودة في جميع عينات المحيط حسب المواد المُستقلّبة، تبين لنا أن 50% من تلك الجينات شاركت في شكل من أشكال الأيض المرتبط بالكربون (الشكل 3). وتُعدّ الجزيئات التي تحتوي على الكربون -مثل ثاني أكسيد الكربون (CO_2) والميثان (CH_4)- من **غازات الدفيئة** التي تساهم في **الاحترار العالمي**. وتستطيع بعض البكتيريا والطحالب استخدام عملية البناء الضوئي لتحويل ثاني أكسيد الكربون إلى كربوهيدرات، مُستعينةً بضوء الشمس، ومن ثمّ إزالة ثاني أكسيد الكربون (CO_2) من الغلاف الجوي. بيد أن عملية البناء الضوئي ليست المسار الوحيد الذي تستخدمه الكائنات الحية في المحيطات لاستقلاب\أيض الكربون!

فلا تحتاج مسارات استقلاب الميثان -مثلاً- إلى الضوء ويمكن أن تعمل في أعماق المحيطات والنطاق القاعي، حيث لا يصل الضوء. وقد اكتُشفت بعض هذه المسارات مؤخراً ولا يزال أمام العلماء الكثير ليتعلموه عنها.

شكل 3

تبين لنا - في جميع عينات المحيطات - أن أكثر من 50% من جينات الأيض المصنفة التي حددناها في تحليلنا الميتاجينومي مرتبطة بشكل من أشكال استقلاب الكربون (ثاني أكسيد الكربون CO_2 أو CH_4). كما احتوت العينات على الجينات المشاركة في استقلاب النيتروجين والكبريت.



شكل 3

هل علم الميتاجينومي هو مستقبل أبحاث المحيطات؟

يتألف فهرس KMAP العالمي لجينات المحيط 1.0 من نحو 163 مليون مجموعة جينية مُصنفة تزودنا بكمية غير عادية من المعلومات حول أنواع الكائنات الحية التي تعيش في أعماق مختلفة من المحيط والوظائف التي تؤديها. ويتجاوز جينوم المحيطات العالمي كونه مجرد فهرس بسيط للكائنات الحية العديدة التي تعيش فيه ووظائفها؛ فهو يعمّق فهمنا للمحيط ويوفر لنا «خط أساس» لتقييم آثار الأنشطة البشرية التي يمكن أن تخل بالتوازن الدقيق للمحيط، مثل التلوث والإفراط في الصيد والتعدين في المحيطات.

ويجري تسلسل جينوم المحيطات العالمي ودراسته منذ فترة، إلا أن ثمة عاملين حدّا من حجم تلك الدراسات، هما التكنولوجيا والتكلفة. وقد أسفرت الإنجازات الحديثة في تقنيات التسلسل عن أنظمة أسرع وأدق وأكثر قابلية للحمل [7].

وتُعد قابلية الحمل ذات أهمية خاصة لعلماء البحار لأن الأنظمة المحمولة يمكن استخدامها على متن سفن الأبحاث التي تجوب المحيطات. كما أدت هذه التطورات في تكنولوجيا التسلسل إلى خفض تكلفتها إلى حد كبير. ففي الماضي، كان العلماء مضطرين لطرح أسئلة محدودة واختيار تجارب التسلسل التي سيجرونها بعناية بسبب التكلفة الباهظة لهذه الأبحاث. واليوم، وبفضل تكنولوجيا التسلسل الحديثة

وغير المكلفة، بات جمع بيانات الجينوم على نطاق لم يسبق له مثيل أمرًا سهلاً نسبيًا. ويمكن أن تساعد هذه البيانات العلماء في الإجابة عن أسئلة حول النطاق الهائل من خدمات النظام البيئي التي توفرها الكائنات الحية في المحيطات للحفاظ على صحة كوكبنا وصحتنا نحن أيضًا.

هل لديك أسئلة عن الكائنات الحية في المحيطات ووظائفها؟ ربما توفر الدراسات الميتاجينومية المستقبلية لجينوم المحيطات العالي إجابات عليها!

شكر وتقدير

تلقي هذا البحث الدعم من جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية من خلال تمويل تنافسي للمراكز قُدِّم إلى مركز أبحاث العلوم البيولوجية الحاسوبية. وشاركت في كتابته سوزان ديباد الحاصلة على درجة الدكتوراة وخريجة كلية الدراسات العليا في العلوم الطبية الحيوية بجامعة ماساتشوستس (الولايات المتحدة الأمريكية) وكاتبة/محررة علمية في شركة إس جي دي للاستشارات ذ.م.م.

إفصاح أدوات الذكاء الاصطناعي

تم إنشاء النص البديل (alt text) الرفق بالأشكال في هذه المقالة بواسطة "فرونترز" (Frontiers) وبدعم من الذكاء الاصطناعي، مع بذل جهود معقولة لضمان دقته، بما يشمل مراجعته من قبل المؤلفين حيثما كان ذلك ممكنًا. في حال تحديدكم لأي خطأ، نرجو منكم التواصل معنا.

مقال المصدر الأصلي

Laiolo, E., Alam, I., Uludag, M., Jamil, T., Agusti, S., Gojobori, T., et al. 2024. Metagenomic probing toward an atlas of the taxonomic and metabolic foundations of the global ocean genome. *Front. Sci.* 1:1038696. doi: 10.3389/fsci.2023.1038696

المراجع

1. Jaume D., and Duarte C. M. 2006. *General Aspects Concerning Marine and Terrestrial Biodiversity. The Exploration of Marine Biodiversity—Scientific and Technological Challenges*. Bilbao: Fundación BBVA.
2. Venter, J. C., Remington, K., Heidelberg, J. F., Halpern, A. L., Rusch, D., Eisen, J. A., et al. 2004. Environmental genome shotgun sequencing of the Sargasso Sea. *Science* 304:66–74. doi: 10.1126/science.1093857
3. Rusch, D. B., Halpern, A. L., Sutton, G., Heidelberg, K. B., Williamson, S., Yooseph, S., et al. 2007. The sorcerer II global ocean sampling expedition: Northwest

- Atlantic through eastern tropical pacific. *PLoS Biol.* 5:e77. doi: 10.1371/journal.pbio.0050077
4. Wikipedia. 2022. *Human Genome Project*. Available online at: https://en.wikipedia.org/wiki/Human_Genome_Project (accessed January 18, 2023).
 5. Escobar-Zepeda, A., Godoy-Lozano, E. E., Raggi, L., Segovia, L., Merino, E., Gutiérrez-Rios, R. M., et al. 2018. Analysis of sequencing strategies and tools for taxonomic annotation: defining standards for progressive metagenomics. *Sci. Rep.* 8:12034. doi: 10.1038/s41598-018-30515-5
 6. Kopf, A., Bicak, M., Kottmann, R., Schnetzer, J., Kostadinov, I., Lehmann, K., et al. 2015. The ocean sampling day consortium. *GigaSci.* 4:27. doi: 10.1186/s13742-015-0066-5
 7. Tyler, A. D., Mataseje, L., Urfano, C. J., Schmidt, L., Antonation, K. S., Mulvey, M. R., et al. 2018. Evaluation of oxford nanopore's MinION sequencing device for microbial whole genome sequencing applications. *Sci. Rep.* 8:10931. doi: 10.1038/s41598-018-29334-5

نُشر على الإنترنت بتاريخ: 31 يوليو 2025

المحرر: Pedro Morais

مرشدو العلوم: Gustavo Fonseca و Luisa I. Falcon

الاقتباس: Laiolo E, Alam I, Uludag M, Jamil T, Agusti S, Gojobori T, Acinas SG, Gasol JM و Duarte CM (2025) جينوم المحيطات العالمي: «فهرس» الحياة في المحيطات. *Front. Young Minds*. doi: 10.3389/frym.2023.1052361-ar

مُترجم ومقتبس من: Laiolo E, Alam I, Jamil T, Uludag M, Agusti S, Gojobori T, Acinas SG, Gasol JM and Duarte CM (2023) The Global Ocean Genome: A "Catalog" of Ocean Life. *Front. Young Minds* 11:1052361. doi: 10.3389/frym.2023.1052361

إقرار تضارب المصالح: يعلن المؤلفون أن البحث قد أُجري في غياب أي علاقات تجارية أو مالية يمكن تفسيرها على أنها تضارب محتمل في المصالح.

حقوق الطبع والنشر © 2023 © 2025 Laiolo, Alam, Uludag, Agusti, Gojobori, Acinas, Gasol و Duarte. هذا مقال مفتوح الوصول يتم توزيعه بموجب شروط ترخيص المشاركة الإبداعية *Creative Commons Attribution License (CC BY)*. يُسمح بالاستخدام أو التوزيع أو الاستنساخ في منتديات أخرى، شريطة أن يكون المؤلف (المؤلفون) الأصلي أو مالك (مالكو) حقوق النشر مقيّدًا وأن يتم الرجوع إلى المنشور الأصلي في هذه المجلة وفقًا للممارسات الأكاديمية المقبولة. لا يُسمح بأي استخدام أو توزيع أو إعادة إنتاج لا يتوافق مع هذه الشروط.

المراجعون الصغار

IGOR، العمر: 12

أعيش في البرازيل على الشاطئ. وأحب اللعب بالليغو والسفر وركوب الأمواج والقراءة. وفي المستقبل، سأصبح مهندسًا معماريًا وأحب العلوم. ولديّ في منزلي ساحة كبيرة مع بيت شجرة.

SEBASTIAN، العمر: 13

أحب ممارسة الرياضة، والقراءة، والرياضيات، والفيزياء، وكل ما يتعلق بالفضاء!

المؤلفون

ELISA LAIOLO

Elisa طالبة دكتوراة في جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية (كاوست)، تحت إشراف الأستاذ Carlos M. Duarte. وقد حصلت على درجة البكالوريوس في العلوم البيولوجية من جامعة ماري للفنون التطبيقية في أنكونا بإيطاليا عام 2018، وعلى درجة الماجستير في علم الأحياء البحرية من الجامعة نفسها عام 2020. بدأت Elisa خلال دراستها للبكالوريوس والماجستير باستخدام علم الميتاجينوميّات لدراسة أنماط التنوع الميكروبي في مجموعة كبيرة من البيئات المائية وفهم وظائف تلك الميكروبات، سواء من حيث عملية الأيض أو المواد التي تنتجها. ولطالما كان علم البيئة الميكروبية مجال الاهتمام الرئيسي لدى Elisa، وتركز دراساتنا الحالية على استخدام علم الميتاجينوميّات لدراسة وظائف المجتمعات الميكروبية في الرواسب، مع إيلاء اهتمام خاص لموائل الكربون الأزرق الساحلية؛ وهي النظم البيئية التي يمكنها تخزين الكربون داخل نباتاتها ورواسبها. [*elisa.laiolo@kaust.edu.sa](mailto:elisa.laiolo@kaust.edu.sa)

INTIKHAB ALAM

يشغل Intikhab منصب عالم أحياء حاسوبي في مركز أبحاث العلوم البيولوجية الحاسوبية بجامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية منذ عام 2010. وقد حصل على درجة الدكتوراة في علم الأحياء الحاسوبي (المعلوماتية الحيوية) من جامعة بيليفيلد بألمانيا عام 2004، وحصل على درجة الماجستير في علم الأحياء الجزيئي من مركز التميز في الأحياء الجزيئية بجامعة البنجاب في باكستان. يطور Intikhab طرقًا لتحديد معلومات تصنيفية ووظيفية للجينات المستخلصة من جينومات أو ميتاجينومات جديدة، لمقارنتها بقواعد البيانات المرجعية باستخدام الحواسيب الفائقة مثل شاهين ومجموعات الحواسيب المرتبطة بها. وهو يعمل على تطوير فهرس الجينات الميتاجينومية من بيانات علم الميتاجينوميّات المتاحة للجمهور.

MAHMUT ULUDAG

Mahmut Uludag مطور برمجيات في جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية. وهو مهتم بتحسين إمكانية الوصول إلى نتائج الأبحاث وتفسيرها باستخدام تقنيات البرمجيات مفتوحة المصدر، مثل منصة البحث سولر ومكتبة ويكا للتعليم الآلي.

**TAHIRA JAMIL**

Tahira Jamil باحثة في جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية (كاوست). ولديها شغف بعلوم البيانات وتحليل البيانات الضخمة. وأثناء عملها في أمستردام، طورت ونفذت شفرة نماذج بايزية للبيانات النوعية في حزم البرامج الإحصائية مفتوحة المصدر. وعملت في جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية على مشاريع مختلفة لتحليل البيانات البيئية والبيولوجية. وحللت تأثير عوامل الإجهاد المتعددة على النظام البيئي للشعاب المرجانية في البحر الأحمر. وهي تستخدم الموجات الحرارية البحرية كنهج جديد للكشف عن مناطق الشعاب المرجانية المعرضة للتبييض، باستخدام البحر الأحمر كنظام نموذجي. وقد عملت على تسلسل بيانات الجينومات، وتعاونت في وضع فهرس جينات المحيط الحيوي العالي، وأجرت تحليلاً ميتاجينومياً على فيروس سارس والإنزيمات المحللة للبلاستيك، وجينات مقاومة المضادات الحيوية.

**SUSANA AGUSTI**

Susana Agusti أستاذة متفرغة في علوم البحار بجامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية، في مركز أبحاث البحر الأحمر (المملكة العربية السعودية). وقد عملت سابقاً أستاذة في معهد المحيطات وكلية بيولوجيا النبات بجامعة غرب أستراليا والمجلس الوطني الإسباني للبحوث، وأستاذة مساعدة في جامعة ترومسو (النرويج). وهي حاصلة على درجتي البكالوريوس والدكتوراة من جامعة مدريد المستقلة. وشاركت في بعثات محيطية في المحيطات القطبية الشمالية والجنوبية (أنتاركتيكا)، بالإضافة إلى المحيطات الأطلسي والهندي والهادئ. وهي تدرس أيضاً البحر الأحمر، أحد أكثر البحار دفئاً على وجه البسيطة. كما تدرس الأستاذة Agusti العوالق الضوئية والتوازن الأيضي للمحيطات، بهدف تقييم تأثير تغير المناخ على المحيطات. كما تدرس حساسية الكائنات البحرية لزيادة درجة حرارة المياه وغيرها من عوامل الإجهاد، مثل الأشعة فوق البنفسجية - ب والملوثات الثابتة ومجموعات من عوامل الإجهاد.

**TAKASHI GOJOBORI**

الأستاذ Gojobori هو أستاذ متميز في جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية. تتنوع اهتماماته البحثية من علم الجينوم المقارن والتعبير الجيني للخلايا العصبية في الأعضاء الحسية لمختلف الكائنات الحية إلى الميتاجينومات البحرية لمجموعة متنوعة من الكائنات الحية الدقيقة. ويهدف إلى توضيح الأصل التطوري للجينوم وكيف يمكن استخدامه لتطوير الطاقة الحيوية. وهو حاصل على عدد من العضويات الأكاديمية المرموقة.

**SILVIA G. ACINAS**

Silvia G. Acinas عالمة أبحاث في معهد علوم البحار في برشلونة. وهي تحب العمل مع أصغر الميكروبات الحية على سطح الأرض، أي بدائيات النوى (البكتيريا والعتائق). وحصلت على درجة الدكتوراة في أليكانتي بإسبانيا، حيث درست تنوع البكتيريا والعتائق في النظم البيئية البحرية. وبعد حصولها على درجة الدكتوراة، انتقلت Silvia إلى الولايات المتحدة الأمريكية لمدة 7 سنوات، قضت خمس سنوات منها في العمل في معهد ماساتشوستس للتكنولوجيا، حيث تعلمت مدى اختلاف الجينومات الميكروبية، حتى بين الأنواع المتقاربة. وقد حفز هذا شغفها بآليات التطور التي تقود عملية نشوء الأنواع في الميكروبات. وهي تعمل الآن على فهم التطور والتنوع الجيني والوظيفي للبكتيريا في النظم الإيكولوجية البحرية القطبية، المهددة بتغير المناخ.



JOSEP M. GASOL

Josep M. Gasol هو أستاذ باحث في معهد علوم البحار في برشلونة. وقد بات مفتونًا بالكائنات الميكروبية التي تعيش في البيئات المائية أثناء دراسته لعلم الأحياء، وبدأ العمل على بحيرة حمراء صغيرة (بعرض 20 مترًا فقط!) في كاتالونيا. كانت هذه البحيرة صغيرة بعض الشيء، لذلك انتقل إلى العديد من البحيرات حول مونتريال وجنوب كيبيك أثناء عمله في مرحلة ما بعد الدكتوراة. وعندما أصبحت تلك البحيرات صغيرة جدًا، قرر أن المحيط هو أكبر نظام بيئي على الأرض وأصبح مفتونًا بميكروبات المحيطات. ولا يزال يحب بيئات المياه العذبة، وقد عمل أيضًا في البحيرات الجبلية والمالحة، الصغيرة والكبيرة، في أمريكا الجنوبية وأفريقيا وجبال البرانس. الآن مهتم بالمياه الجوفية في السطح البيئي بين اليابسة والمحيط. ويجمع عمله في مجال المحيطات بين الأبحاث في موقع ساحلي طويل الأمد (مرصد بلانيس باي الميكروبي) الرحلات الاستكشافية المحيطية الكبرى (مثل رحلة مالاسينا)، وتراوح مناهجه التجريبية بين الدراسات الرصدية والتجريبية. كما أنه يحب مشاهدة الطيور، ولكن ليس إجراء الأبحاث عليها!



CARLOS M. DUARTE

Carlos هو أستاذ متميز في جامعة الملك عبد الله للعلوم والتقنية. ويريد Carlos أن يبذل جهدًا علميًا عالميًا لإعادة بناء ثروة الحياة البحرية، وهذا بعد ما يقرب من أربعة عقود من توثيقه لمدى تأثير الضغوط البشرية على الحياة البحرية. وتتسم أبحاثه بالاستقلالية والإبداع والقدرة على الاستفادة من الاكتشافات غير المتوقعة والربط بين تخصصات متعددة، بالإضافة إلى القدرة على التنظيم والتعاون مع فرق كبيرة متعددة التخصصات. وهو يُحب الكلاب ويستمتع بوجوده في عرض البحر، كما يهوى القراءة، وممارسة السباحة، والغوص الحر والتريض، واللعب مع حفيده أوليفر.

جامعة الملك عبد الله
للعلوم والتقنية
King Abdullah University of
Science and Technology



النسخة العربية مقدمة من
Arabic version provided by